



Myeloid DNA/RNA panel (NGS based)

1. รายการตรวจ : Myeloid DNA/RNA panel (NGS based)

ยีนที่ตรวจวิเคราะห์

Hotspots (23 genes): *ABL1, BRAF, CBL, CSF3R, DNMT3A, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, MYD88, NPM1, NRAS, PTPN11, SETBP1, SF3B1, SRSF2, U2AF1, WT1*

Full genes (17 genes): *ASXL1, BCOR, CALR, CEBPA, ETV6, EZH2, IKZF1, NF1, PHF6, PRPF8, RB1, RUNX1, SH2B3, STAG2, TET2, TP53, ZRSR2*

Gene fusions (29 genes): *ABL1, ALK, BCL2, BRAF, CCND1, CREBBP, EGFR, ETV6, FGFR1, FGFR2, FUS, HMGA2, JAK2, KMT2A(MLL), MECOM, MET, MLLT10, MLLT3, MYBL1, MYH11, NTRK3, NUP214, PDGFRA, PDGFRB, RARA, RBM15, RUNX1, TCF3, TFE3*

Expression genes (5 genes): *BAALC, MECOM, MYC, SMC1A, WT1*

2. รหัสและราคา

1) รหัสโรงพยาบาล : SEL01 รหัสกรมบัญชีกลาง : 37548

2) ราคา

- 1) ราคากรมบัญชีกลาง 15,000 บาท
- 2) ราคาชำระเอง 18,000 บาท
- 3) ค่าราชการ/ประกันสังคม/ประกันสุขภาพถ้วนหน้า เบิกจ่ายตามสิทธิ
- 4) ราคาอาจมีการเปลี่ยนแปลงตามประกาศของคณะฯ

3. ข้อบ่งชี้ในการส่งตรวจ : ใช้ประกอบการวินิจฉัยทางคลินิกหรือเลือกแนวทางการรักษา ในผู้ป่วยโรคมะเร็งเลือดชนิด Myeloid

4. การเตรียมผู้ป่วย : ไม่มี

5. สิ่งส่งตรวจ/ ปริมาณ และภาชนะที่เก็บ : เลือด 3 ml ใส่ใน standard EDTA tube (ฝาสีม่วง)



6. การนำส่ง และข้อควรระวังในการส่งสิ่งส่งตรวจ:

ผสมเลือดให้เข้ากันกับ EDTA จนแน่ใจว่าเลือดไม่แข็งตัวเป็นลิ่ม หลังเก็บเลือดควรแช่เย็นที่อุณหภูมิ 4-8 °C (ห้ามแช่แข็ง) และควรนำส่งเลือดถึงห้องปฏิบัติการภายใน 24 ชม.

7. วันและเวลาที่ให้บริการ

7.1 รับสิ่งส่งตรวจ : ทุกวันตลอด 24 ชั่วโมง

7.2 ตรวจวิเคราะห์ : ตรวจวิเคราะห์ทุก 2 สัปดาห์

8. ระยะเวลารอคอยผลการตรวจ : 30 วัน

9. ค่าอ้างอิง และค่าวิกฤต

9.1 ค่าอ้างอิง : รายงานผลเป็นชนิดของการกลายพันธุ์ (mutation) ที่ตรวจพบในยีนที่ตรวจวิเคราะห์ และแปลผลการกลายพันธุ์ที่ตรวจพบที่เกี่ยวข้อง หรือมีรายงานในโรคมะเร็ง

9.2 ค่าวิกฤต : ไม่มี

10. วิธีการตรวจวิเคราะห์ : Polymerase chain reaction (PCR) เฉพาะส่วนของยีนที่ตรวจวิเคราะห์ และ ตามด้วยวิเคราะห์ลำดับเบสด้วยหลักการ Next-generation sequencing

11. สิ่งรบกวนต่อการตรวจวิเคราะห์ : Heparin และ heme จากเลือดที่เกิด hemolysis จะรบกวน PCR amplification

12. ระยะเวลาที่สามารถขอตรวจเพิ่มเติม : ไม่มีการขอตรวจเพิ่ม

13. อื่น ๆ และข้อจำกัดของการตรวจวิเคราะห์:

13.1 วิธีการวิเคราะห์เป็นการตรวจเฉพาะส่วนที่สามารถตรวจพบ base substitution, small deletion/insertion, Copy number variant และ fusion variant ในส่วนของยีนที่ตรวจวิเคราะห์ได้

13.2 การวิเคราะห์นี้ไม่ครอบคลุมส่วนของ regulatory sequence

13.3 ไม่สามารถตรวจการกลายพันธุ์ชนิด large deletion/duplication หรือ structural variant ได้